

**Van:** [redacted]  
**Verzonden:** woensdag 23 december 2020 08:52  
**Aan:** [redacted]  
**Onderwerp:** Re: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Hoi,

Toch even ter correctie mbt bewuste ecdc paper: het was een lijst data providers niet een lijstje country contacts. Ze hebben iedere data provider in gisaid uit europa benaderd voor deelname. In geval NL zowel emc als rivm als de twee instituten die op dat moment data in de portal hadden. Ik vind juist dat ze het heel netjes gedaan hadden dit keer.

Gr [redacted]

---

**Van:** [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>  
**Datum:** 23 december 2020 om 00:37:39 CET  
**Aan:** [redacted] <[redacted]@rivm.nl>, [redacted] <[redacted]@rivm.nl>, [redacted] <[redacted]@rivm.nl>, Chantal Reusken <[redacted]@rivm.nl>, [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>, [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>  
**Onderwerp:** Re: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Tja, ecdc kan natuurlijk niet zomaar overzichten gaan publiceren zonder overleg met data providers. Dat zullen ze toch ooit moeten gaan snappen

Paper over diversiteit in europa met een lijst "country contacts" is niet echt de manier.

---

**From:** [redacted] <[redacted]@rivm.nl>  
**Sent:** Tuesday, December 22, 2020 11:05:19 PM  
**To:** [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; Chantal Reusken <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>  
**Subject:** RE: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Yep, dacht ik ook. Maar dan moet ECDC voor Europa het wel uit GISAID mogen plukken. Voor flu is ze dat tot nu toe nog niet gelukt.

Mvg

5.1.2e

---

**From:** [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>**Sent:** dinsdag 22 december 2020 22:36**To:** [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>**Subject:** Re: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Gek, dit komt toch in GISAID? Veel slimmer als iedereen zijn data in GISAID zet, want daar worden deze overzichten gemaakt. En anders moet je dubbel gaan doen

[redacted] [redacted] [redacted]

Head department of Viroscience



P.O. box [redacted] 3000 CA Rotterdam, The Netherlands

Office address: room [redacted] Dr. Molewaterplein 40, 3015 GD Rotterdam, The Netherlands

E-mail: [redacted]@erasmusmc.nl | Phone +31 [redacted]

---

**From:** [redacted] <[redacted]@rivm.nl>**Sent:** 22 December 2020 22:15**To:** [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@rivm.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>; [redacted] <[redacted]@erasmusmc.nl>**Subject:** FW: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Hoi,

Zie onder en bijgevoegd. ECDC wil case-based en/of geaggregeerde sequentie karakteristieken gaan verzamelen. Zien we dat zitten daaraan wekelijks bij te dragen met een overzicht richting EPI die de upload doet? Of moeten we als virologen die upload gaan doen, eigenlijk. Er wordt in de loop van morgen een antwoord verwacht of we dit kunnen leveren. Of dat we onoverkomelijke bezwaren hebben. Tijd?

Mvg

5.1.2e

**From:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

**Sent:** dinsdag 22 december 2020 17:03

**To:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

**Cc:** 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>; 5.1.2e <5.1.2e@rivm.nl>

**Subject:** FW: New variables in TESSy to capture SARS-CoV-2 variants

Ha allen,

Zie onderstaande mail van ECDC.

Het gaat over het toevoegen van informatie over varianten.

Ik verwacht dat we dit in de case based data niet toe kunnen voegen, maar dit zou wel op geaggregeerd niveau kunnen.

Als we dit willen doen, moeten we dit denk ik (voorlopig) handmatig doen, en per Isoweek een paar kolommen toevoegen met de aantallen van deze varianten per week.

Ik weet niet per wanneer ze dit willen gaan doen, ik verwacht snel gezien de ontwikkelingen op dit moment.

5.1.2e

- Hebben we deze data beschikbaar?
- Kunnen we deze data delen?
- Hoe kunnen wij deze data op dinsdag vóór 15 uur ontvangen, zodat wij dit kunnen toevoegen aan de upload naar tussy?
- Ik verwacht dat het om een kleine subset gaat van virussen die verder wordt gekarakteriseerd, daarom wel belangrijk om de laatste variabele ook mee te nemen.
- Hebben jullie nog major concerns, zoals gevraagd in onderstaande mail?

Als wij dus op dinsdag een tabel aangeleverd zouden krijgen met per isoweek deze aantallen, zouden we dit denk ik zonder al te veel problemen kunnen meenemen in de upload.

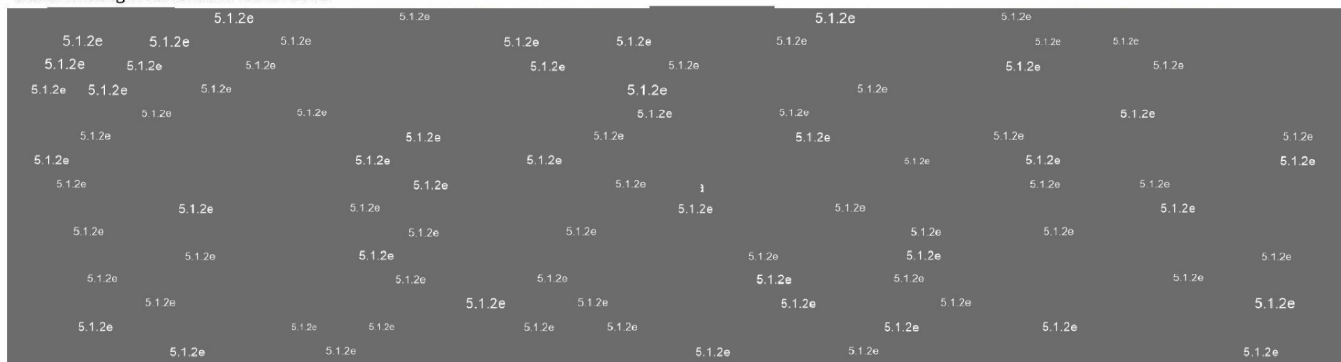
Groeten, 5.1.2e

NCOVAGGR	2 VariantCluster5	Variant Cluster 5	Number of Denmark cluster 5 cases associated with mink (defined by mutations: del 69-70, Y453F, I692V, M1229I)

NCOVAGGR	2 VariantY453F	Variant Y453F	Number of cases with Y453F associated with farmed minks (defined by mutation: Y453F)
NCOVAGGR	2 VariantSGeneDelete	Variant S Gene Deletion	Number of variant virus cases with deletion in S-gene (defined by mutation: del 69-70 or by negative S-gene RT-PCR) not associated with the UK variant
NCOVAGGR	2 Variant501V2	Variant 501_V2	Number of South African variant cases (defined by mutations: L18F, D80A, D215G, del 242-244, R246I, K417N, E484K, N501Y, A701V)
NCOVAGGR	2 VariantVOC_202012_01	Variant VOC_202012_01	Number of cases with the UK variant of concern (defined by mutations: del 69-70, del 144, N501Y, A570D, D614G, P681H, T716I, S982A, D1118H)
NCOVAGGR	2 NumberSequencedViruses	Total number of sequenced viruses for this week of reporting	Total number of sequenced viruses for this week of reporting

From: ECDC respiratory viruses <5.1.2e@ecdc.europa.eu>

Sent: dinsdag 22 december 2020 16:43



De volgende vier pagina's zijn verwijderd i.v.m. artikel 5.1.2.a Woo.